

Сведения о ведущей организации

по диссертации Рубинчика Михаила Валентиновича

«Вычислительная сложность некоторых задач обработки строк»

по специальности 01.01.09 – «Дискретная математика и математическая кибернетика»

на соискание ученой степени кандидата физико-математических наук наук

Полное наименование организации в соответствии с уставом	Федеральное государственное автономное образовательное учреждение высшего образования «Национальный исследовательский университет «Высшая школа экономики»
Сокращенное наименование организации в соответствии с уставом	Национальный исследовательский университет «Высшая школа экономики», Высшая школа экономики, НИУ ВШЭ, ВШЭ
Ведомственная принадлежность	Правительство Российской Федерации
Почтовый индекс, адрес организации	101000 г. Москва, ул. Мясницкая, дом 20
Веб-сайт	http://www.hse.ru/
Телефон	(495) 771-32-32
Адрес электронной почты	hse@hse.ru
Список основных публикаций работников структурного подразделения, составляющего отзыв, за последние пять лет по теме диссертации (не более 15 публикаций).	<p>1. Babenko M. A., Gawrychowski P., Kociumaka T., Starikovskaya T. Wavelet Trees Meet Suffix Trees, in: Proceedings of the ACM-SIAM Symposium on Discrete Algorithms. San Diego : SIAM, 2015. P. 572-591.</p> <p>2. Babenko M. A., Kociumaka T., Gawrychowski P., Starikovskaya T. Computing Minimal and Maximal Suffixes of a Substring Revisited, in: Lecture Notes in Computer Science Vol. 8486: Proceedings of the 25th Annual Symposium on Combinatorial Pattern Matching. Springer Verlag, 2014. P. 30-39.</p> <p>3. Maxim Babenko, Ignat Kolesnichenko, Starikovskaya T. On Minimal and Maximal Suffixes of a Substring // Lecture Notes in Computer Science. 2013. Vol. 7922. P. 28-37.</p> <p>4. Бабенко М. А., Стариковская Т. А. Вычисление длиннейшей общей подстроки с одной ошибкой // Проблемы передачи информации. 2011. Т. 47. № 1. С. 28-33.</p> <p>5. Babenko M. A., Starikovskaya T. Computing Longest Common Substrings Via Suffix Arrays, in: Lecture Notes in Computer Science Vol. 5010: Proceedings of the Third International Computer Science Symposium in Russia. Berlin : Springer</p>

	<p>Verlag, 2008. P. 64-75.</p> <p>6.Régnier M., Eugenia F., Victor Yakovlev, Mikhail Roytberg. Analysis of pattern overlaps and exact computation of P-values of pattern occurrences numbers. Case of Hidden Markov Models. // Algorithms for Molecular Biology. 2014. Vol. 9. No. 25</p> <p>7.Polyanovsky V. O., Roytberg M. A., Tumanyan V. G. Comparative analysis of the quality of a global algorithm and a local algorithm for alignment of two sequences // Algorithms for Molecular Biology. 2011. Vol. 6. No. 25. P. 1-12.</p> <p>8.Roytberg M. A. Quality of Algorithms for Sequence Comparison // Lecture Notes in Computer Science. 2011. No. 6744. P. 17-20.</p>
--	---

Первый проректор
 федерального государственного автономного
 образовательного учреждения высшего образования
 «Национальный исследовательский
 университет «Высшая школа экономики»


 В.В. Радаев

«19» 04. 2016 г.

